

## BA\_2677 family bacteriocins

BA\_2677  
 YP\_084014.1 1 MNQFQQELQSLNLDYQTNVYVYWDPQQSQYPYYIQQDARRCGGCGGCGGRCGGCGG--R  
 6 MNQFQQELQSLNLDYQTNVYVYWDPQQSQYPYYIQQDARRCGGCGGCGGRCGG--R  
 ZP\_03234428.1 1 MNQFQQELQSLNLDYQTNVYVYWDQQQSQYPYYIQQDARRCGGCGGCGGRCGGCGG--R  
 YP\_036780.1 1 MNQFQQELQSLNLDYQTNVYVYWDQQQSQYPYYIQQDARRCGGCGGCGGRCGGCGG--R  
 NP\_832442.1 6 MNQFQQELQSLNLDYQTNVYVYWDQQQSQYPYYIQQDARRCGGCGGCGGRCGGCGG--R  
 YP\_001645299.1 1 MNEFQQELQALNLDYQPGNVYVYWDQQNQYPYYIQQDARRCGGCGG--GGRCGGCGG--R  
 ZP\_03107636.1 1 MNQFQQELQSLNLDYQTNVYVYWDPQQSQYPYYIQQDARRCGGCGG--RCGGCGG--R  
 YP\_002338693.1 1 MNQFQQELQSLNLDYQTNVYVYWDQQQSQYPYYIQQDARRCGGCGG--RCGGCGG--R  
 ZP\_00741089.1 6 MNQFQHELQTLNLDYQTNVYVYWDQQQSQYPYYIQQDARRCGGCGGCGGRCGGCGG--GR  
 YP\_002446107.1 1 MNQFQHELQTLNLDYQTNVYVYWDQQQSQYPYYIQQDARRCGGCGGCGGRCGGCGG--GR  
 ZP\_00240549.1 1 MNQFQHELQTLNLDYQTNVYVYWDQQQSQYPYYIQQDARRCGGCGGCGGRCGGCGG--GR  
 NP\_979019.1 1 MNWFQQELQSLNLDYQTNVYVYWDQQNQYPYYIQGLVRRKUGGUGGCGGRUGGUGG--W  
 YP\_002367408.1 1 MNQFQQELQSLNLDYQTNVYVYWDQQNQYPYYIQGDVRRCGGCGGCGGRCGGCGG--R  
 YP\_001375144.1 1 MNEFQQELQALSNDYQPGNVYVYWD--QQNQYPYYMQEDARRCGG--R  
 YP\_001645091.1 1 MNNFQQELQALSNDYQPGNIVYWD--QQNQYPYYITDDARRCGGCGGCGGRCGGCGGGR  
 ZP\_03233379.1 1 MNQFQQELQALSNDYQSGNVYVYWD--QQNQYPYYIEDARRCGGCGG--RCGGC--GR  
 NP\_978937.1 1 MNQFQQELQALSNDYQSGNVYVYWD--QQNQYPYYIEDARRCGGCGG--RCGG--GR  
 NP\_832311.1 3 MNQFQQELQALSNDYRSGNIVYWD--QQNQYPYYIEDARRCGGCGG--RCGGCGG--GR  
 YP\_002367295.1 1 MNQFQQELQALSNDYRSGNIVYWD--QQNQYPYYIEDARRCGGCGG--RCGGCGG--GR  
 ZP\_00744092.1 1 MNQFQQELQALSNDYRSGNIVYWD--QQNQYPYYIEDARRCGGCGG--RCGGCGG--GR  
 ZP\_00239435.1 1 MNQFQQELQALSNDYQSGDIVYWD--QQNQYPYYIEDARRCGGCGG--RCGGCGG--GR  
 YP\_002445982.1 1 MNQFQQELQALSNDYRSGNIVYWD--QQNQYPYYIEDARRCGGCGG--RCGGCGG--GR  
 YP\_002338620.1 1 MNQFQQELQALSNDYQSGNVYVYWD--QQNQYPYYIEDARRCGGCGG--RCGGCGG--GR  
 NT03BL1107.1 1 MQPFHDELQSLMDHFQADDMTHWDPRHH-----ANVKHCASQW-----SCGSC--AS

BA\_2677  
 YP\_084014.1 60 CGGCGAG-----RCGGCIG--CAGCFG-----CFNCWNLW-----II-----88  
 62 CGGCGAG-----RCGGCIG--CAGCFG-----CFNCWNLW-----II-----90  
 ZP\_03234428.1 60 CGGCGAG-----RCGGCIG--CVGCFG-----CFNCWNLW-----II-----88  
 YP\_036780.1 60 CGGCGAG-----RCGGCIG--CAGCFG-----CFNCWNLW-----II-----88  
 NP\_832442.1 65 CGGCAG-----RCGGCIR--CAGCFS-----CFNCWNLW-----II-----93  
 YP\_001645299.1 59 CGGCGG-CGGGRCGGCVG--CVGCF-----CSNCWNLW-----II-----91  
 ZP\_03107636.1 57 CGGCGAG-----RCGGCIG--CAGCFG-----CFNCWNLW-----II-----85  
 YP\_002338693.1 57 CGGCAG-----RCGGCIG--CAGCFG-----CFNCWNLW-----II-----85  
 ZP\_00741089.1 66 CGGCGG--R--CVG--CAGCFG-----CFNCWNLW-----II-----91  
 YP\_002446107.1 61 CGGCGG--R--CVG--CAGCFG-----CFNCWNLW-----VI-----86  
 ZP\_00240549.1 61 CGG-----CVG--CAGCFG-----CFNCWNLW-----II-----82  
 NP\_979019.1 60 CGG-----CVG--CAGCFG-----CFNCWNLW-----II-----81  
 YP\_002367408.1 60 CGG-----CVG--CAGCFG-----CFNCWNLW-----II-----81  
 YP\_001375144.1 46 -----CFG--CFGCFG-----CFNCWNLW-----FFI-----65  
 YP\_001645091.1 62 CGG--GRCGGFRFCGCFG--CFSCFG--CGGCSNCSNCFDGFNGT-----TVTFEY 106  
 ZP\_03233379.1 54 CGGCAGRCGGFRFCGCFG--CFGCF--CGGCGSCGSCSNCFNGT-----SDAIVIEY 103  
 NP\_978937.1 54 CGG--FRCGGFRFCGCFG--CFGCF--CGGCGGCGSCSNCFNGT-----SDAIVIEY 101  
 NP\_832311.1 58 CGG--FRCGGFRFCGCFG--CFGCF--CGGCGGCGSCSNCFDGF--TDTTGTIVTIEY 108  
 YP\_002367295.1 56 CGG--FRCGGFRFCGCFG--CFGCGG--CGGCGGCGSCSNCFDGF--TDTTGTIVTIEY 106  
 ZP\_00744092.1 56 CGG--FRCGGFRFCGCFG--CIGCGG--CIGCGGCGSCSNCFDGFSGTDTTGTIITIEY 109  
 ZP\_00239435.1 55 CGG--FRCGGFRFCGCFG--CFGCGG--CGGCGTGGSCSNCFSGFNGTDTTGTIITIEY 108  
 YP\_002445982.1 56 CGG--FRCGGFRFCGCFG--CFGCGG--CGG-----CSNCFNGFSGTDTTGTIITIEY 103  
 YP\_002338620.1 49 CGG--FRCGGFRFCGCFG--CFGCF--CGGCGS--CSNCFNGT-----SDAIVIEY 93  
 NT03BL1107.1 48 C-----WSCAGHSCWSCMGS--CWSCAG-----HC--CWSCHHG-----M-----80